

EDITAL 01/2025 - ENGBIO/CNPq
SELEÇÃO DE PROPOSTAS PARA SEQUENCIAMENTO DO GENOMA
DE MICRORGANISMOS DA AMAZÔNIA

PROJETO IWASA'I

1. DISPOSIÇÕES GERAIS

O Laboratório de Engenharia Biológica (ENGBIO), da Universidade Federal do Pará (UFPA), com apoio do Conselho Nacional de Desenvolvimento Científico e Tecnológico (CNPq) através do projeto Iwasa'i (Processo CNPq: 445350/2024-5), torna pública a seleção de propostas para realização de sequenciamento do genoma de microrganismos amazônicos (bactérias, arqueias e fungos), utilizando a plataforma Illumina NextSeq 2000. O presente edital tem como objetivo ampliar o conhecimento sobre a diversidade genética de microrganismos isolados da Amazônia, contribuindo para sua caracterização e futura aplicação biotecnológica.

2. PÚBLICO-ALVO

Poderão submeter propostas pesquisadores vinculados a instituições de ciência e tecnologia (ICTs) localizadas nos estados da Amazônia Legal: Acre, Amapá, Amazonas, Maranhão, Mato Grosso, Pará, Rondônia, Roraima e Tocantins.

3. OBJETIVO E QUANTITATIVO

Contribuir com a caracterização da diversidade microbiana da Amazônia e disseminação do conhecimento em genômica e bioinformática na região. Serão contempladas até 96 propostas de sequenciamento, sendo priorizadas aquelas que atendam aos critérios estabelecidos neste edital.

4. CRITÉRIOS DE ELEGIBILIDADE

Os microrganismos devem ter sido isolados de ambientes pertencentes ao bioma Amazônia, podendo ser oriundos de amostras ambientais (solo, água, sedimento, etc.) ou associados a hospedeiros (plantas, animais, etc.). O DNA genômico deverá apresentar integridade (pelo menos uma banda de alto peso molecular em gel de agarose 2%), pureza (razões A260/A280 e A260/A230 próximas de 1.8) e massa total mínima de 10 ng. A pesquisa associada ao isolamento do microrganismo deve estar previamente cadastrada no SISGEN e, quando aplicável, em sistemas como SISBIO, CEP ou CEUA.

5. FORMA E PRAZO DE INSCRIÇÃO

As propostas deverão ser submetidas no período de 02 de setembro a 30 de setembro de 2025, exclusivamente por meio do formulário eletrônico disponível no site do ENGBIO (www.engbio.ufpa.br/editais). O proponente deverá anexar ao formulário os seguintes documentos:

- Formulário de inscrição preenchido;
- Descrição breve do microrganismo (espécie, local de isolamento, ambiente);
- Comprovante de qualidade e quantidade do DNA (relatório espectrofotométrico e imagem do gel);
- Comprovante de cadastro da pesquisa no SISGEN (e outros, se aplicável);
- Declaração de responsabilidade pelo envio e legalidade das amostras.

6. ETAPAS DE SELEÇÃO

A seleção ocorrerá em duas etapas:

- I. Homologação das inscrições: verificação da documentação obrigatória e dos critérios de elegibilidade;
- II. Avaliação de mérito: será realizada por uma comissão técnica designada pelo ENGBIO. Cada proposta poderá solicitar o sequenciamento de até cinco (5) microrganismos. Caso o número de sequenciamento ultrapasse a quantidade disponível (96), será considerada a diversidade geográfica das amostras, representatividade taxonômica, potencial biotecnológico, equidade de gênero dos pesquisadores.

7. CRONOGRAMA

- Lançamento do edital: 02/09/2025
- Submissão das propostas: 02/09/2025 a 30/09/2025
- Avaliação das propostas: 01/10/2025 a 15/10/2025
- Divulgação do resultado preliminar: 17/10/2025
- Prazo para recursos: 18/10/2025 a 22/10/2025
- Resultado final: 25/10/2025
- Envio das amostras: até 15/11/2025
- Início do sequenciamento: novembro de 2025

- Treinamento em montagem e anotação de genomas: A partir de Janeiro de 2026

8. VIGÊNCIA

O serviço de sequenciamento será realizado de maneira gratuita entre novembro de 2025 e março de 2026. As amostras deverão ser enviadas até o dia 15 de novembro de 2025.

9. OBRIGAÇÕES DOS SELECIONADOS

Os pesquisadores selecionados deverão:

- Enviar as amostras de DNA conforme os critérios técnicos definidos;
- Citar o apoio do ENGBIO/UFPA e do projeto que financia este edital em publicações e apresentações;
- Participar de eventos organizados pelo ENGBIO, quando convidados, para apresentação de resultados.

10. DIVULGAÇÃO DOS RESULTADOS

Os resultados serão divulgados no site do ENGBIO (<https://www.engbio.ufpa.br/home.html>) e enviados por e-mail aos proponentes. Cada selecionado receberá ao final do serviço um arquivo em formato FASTQ contendo os dados brutos do genoma sequenciado. A quantidade média de dados esperada por genoma será calculada de acordo com a complexidade de cada organismo e proposta (taxonomia e tamanho do genoma). Será oferecido um treinamento em montagem e anotação de genomas microbianos usando dados da plataforma Illumina NextSeq 2000 para os pesquisadores contemplados no edital.

11. RECURSOS

O recurso deverá ser individual, com a indicação daquilo que o proponente se julgar prejudicado, e devidamente fundamentado com comprovações das alegações apresentadas. O recurso deve ser encaminhado ao email: engbiopct@gmail.com dentro do prazo estabelecido no cronograma. O recurso será analisado pela mesma comissão constituída na etapa II da seleção. Não serão aceitos pedidos de revisão de recursos.

12. CASOS OMISSOS E DISPOSIÇÕES FINAIS

Os casos omissos neste edital serão analisados pela comissão técnica designada pelo ENGBIO.

Informações adicionais podem ser obtidas, preferencialmente, pelo do email do ENGBIO:

Laboratório de Engenharia Biológica

Parque de Ciência e Tecnologia Guamá, Espaço Inovação, 2º andar.

Av Perimetral, 66075-750, Guamá, Belém, PA.

Email: engbiopct@gmail.com